

Problème A : tranches maximales

Question préliminaire : sans commentaire !

```
def max(a, b):
    if a > b:
        return a
    else:
        return b
```

Partie I – Algorithme naïf et première amélioration

L'idée est d'essayer d'éviter les calculs redondants dans les deux boucles internes de `som_max1` : je vais mettre à jour la variable `s_max` à l'intérieur de la boucle qui calcule $\sum_{k=g}^{d-1} t[k]$:

```
def som_max2(t):
    n = len(t)
    s_max = t[0]
    for g in range(n):
        s = t[g]
        s_max = max(s_max, s)
        for k in range(g+1, n):
            s += t[k]
            s_max = max(s_max, s)
    return s_max
```

La terminaison est banale puisque les boucles sont inconditionnelles.

`s_max` est initialisé avec la valeur `t[0]`, à la suite de quoi je calcule toutes les sommes à considérer en mettant à jour `s_max` à chaque nouveau calcul : à la sortie `s_max` contient bien $S(t)$.

Attention ! Ne pas initialiser `s_max` par 0, pour le cas où tous les éléments du tableau seraient négatifs...

Pour g fixé dans $\llbracket 0, n-1 \rrbracket$, la boucle interne du programme ci-dessus effectue $n-g-1$ additions, d'où :

$$T_2(n) = \sum_{g=0}^{n-1} (n-g-1) = \sum_{k=0}^{n-1} k$$

soit

$$T_2(n) = \frac{n(n-1)}{2} = \Theta(n^2).$$

Partie II – Version récursive

Si le tableau contient une seule valeur, il y a une seule somme que je renvoie !

Sinon j'applique le principe de l'énoncé, en déterminant la plus grande des sommes des tranches contenant `t[0]`, puis en la comparant à $S(t')$.

À droite une variante avec un second paramètre pour éviter les recopies de tableau :

```
def som_max3(t):
    if len(t) == 1:
        return t[0]
    else:
        s_max = t[0]
        s = t[0]
        for k in range(1, len(t)):
            s += t[k]
            s_max = max(s_max, s)
        return max(s_max, som_max3(t[1:]))
```

```
def som_max3(t, d=0):
    if d == len(t) - 1:
        return t[-1]
    else:
        s_max = t[d]
        s = t[d]
        for k in range(d + 1, len(t)):
            s += t[k]
            s_max = max(s_max, s)
        return max(s_max, som_max3(t, d+1))
```

- La terminaison est justifiée par la décroissance stricte de la longueur de t à chaque appel récursif et l'arrêt lorsqu'elle vaut 1.
- La correction est justifiée par la remarque de l'énoncé, accompagnée d'une récurrence : la boucle `for` place dans `s_max` la plus grande des sommes $\sum_{k=g}^n t[k]$, $g \in \llbracket 1, n \rrbracket$. Il n'y a plus qu'à renvoyer `max(s_max, som_max3(t[1:]))`, en effet $t[1:]$ correspond bien à t' .
- Le nombre d'additions de réels $T_3(n)$ vérifie ici $T_3(1) = 0$ et $\forall n \geq 2 \quad T_3(n) = n - 1 + T_3(n - 1)$, d'où — par une récurrence banale — $T_3(n) = \sum_{k=1}^n (k - 1)$, soit

$$T_3(n) = \frac{n(n-1)}{2}.$$

Partie III – Un algorithme linéaire

- 1) Je remarque que, pour tout p de $\llbracket 1, n - 1 \rrbracket$, avec les notations de l'énoncé,

$$\mathcal{E}_{p+1} = \{t[p]\} \cup \{x + t[p], x \in \mathcal{E}_p\}.$$

Il est clair que

$$\max\{x + t[p], x \in \mathcal{E}_p\} = \delta_p + t[p]$$

d'où : si $\delta_p \leq 0$, alors $\delta_{p+1} = t[p]$, sinon $\delta_{p+1} = \delta_p + t[p]$. Autrement dit

$$\delta_{p+1} = \max(t[p], \delta_p + t[p]).$$

Par ailleurs, par construction, $\mathcal{F}_{p+1} = \mathcal{F}_p \cup \mathcal{E}_{p+1}$. Il en résulte que

$$\sigma_{p+1} = \max(\sigma_p, \delta_{p+1}).$$

- 2) Avec l'initialisation triviale $\sigma_1 = \delta_1 = t[0]$, la question précédente fournit la preuve par récurrence de la correction de la fonction suivante, puisque par définition $S(t) = \sigma_n$:

```
def som_max4(t):
    sigma = t[0]
    delta = t[0]
    for p in range(1, len(t)):
        if delta > 0:
            delta += t[p]
        else:
            delta = t[p]
        sigma = max(sigma, delta)
    return sigma
```

J'économise une addition à chaque fois que δ_p est négatif ou nul...

Puisqu'il n'y a plus qu'une boucle, avec au plus une addition à chaque passage :

$$T_4(n) \leq n - 1 \quad \text{d'où} \quad T_4(n) = O(n).$$

(ça valait le coup de réfléchir !).

“Un bon algorithme est comme un couteau tranchant — il fait exactement ce qu'on attend de lui, avec un minimum d'efforts. L'emploi d'un mauvais algorithme pour résoudre un problème revient à essayer de couper un steak avec un tournevis : vous finirez sans doute par obtenir un résultat digeste, mais vous accomplirez beaucoup plus d'efforts que nécessaire, et le résultat aura peu de chances d'être esthétiquement satisfaisant.”

(Cormen, Leiserson & Rivest)

Problème B – Produits de matrices**Partie I : produit de deux matrices**

- 1) Il n'y a qu'à appliquer la définition :

```
def Prod_mat(A,B):
    p, q, r = len(A), len(B), len(B[0])
    C = np.zeros((p, r))
    for i in range(p):
        for j in range(r):
            for k in range(q):
                C[i,j] += A[i,k] * B[k,j]
    return C
```

Terminaison et correction banales...

- 2) La boucle interne est exécutée
- pr
- fois et elle coûte
- q
- multiplications :

$\text{Prod_mat}(A,B)$ coûte pqr multiplications de flottants.

Partie II : produits en chaîne

- 1) Pour
- $(A_1 A_2)$
- , le coût est
- $10 \times 5 \times 100$
- et le résultat est une matrice de type
- $(10, 100)$
- ; pour la multiplier par
- A_3
- , le coût est
- $10 \times 100 \times 3$
- et le produit
- $((A_1 A_2) A_3)$
- est une matrice de type
- $(10, 3)$
- ; il reste à la multiplier par
- A_4
- , pour un coût de
- $10 \times 3 \times 50$
- . Ainsi, le coût total pour le calcul de
- $((A_1 A_2) A_3) A_4$
- est :
- $10 \times 5 \times 100 + 10 \times 100 \times 3 + 10 \times 3 \times 50 = 9\,500$
- .

De même, pour $((A_1 (A_2 A_3)) A_4)$, le coût est : $5 \times 100 \times 3 + 10 \times 5 \times 3 + 10 \times 3 \times 50 = 3\,150$.Pour $((A_1 A_2) (A_3 A_4))$: $10 \times 5 \times 100 + 100 \times 3 \times 50 + 10 \times 100 \times 50 = 70\,000$.Pour $(A_1 ((A_2 A_3) A_4))$: $5 \times 100 \times 3 + 5 \times 3 \times 50 + 10 \times 5 \times 50 = 4\,750$.Enfin, pour $(A_1 (A_2 (A_3 A_4)))$: $100 \times 3 \times 50 + 5 \times 100 \times 50 + 10 \times 5 \times 50 = 42\,500$.

Le coût du pire des choix est plus de 22 fois supérieur au coût optimal...

- 2) Soit
- $n \geq 2$
- ; par définition, un parenthésage complet d'un produit de
- n
- matrices est le produit, placé entre parenthèses, d'un parenthésage complet d'un produit de
- k
- matrices par un parenthésage complet d'un produit de
- $n - k$
- matrices, cela pour une valeur de
- k
- telle que
- $1 \leq k \leq n - 1$
- ; les choix des deux sous-parenthésages étant indépendants l'un de l'autre, j'en déduis la relation de récurrence :

$\forall n \geq 2 \quad P(n) = \sum_{k=1}^{n-1} P(k) P(n-k) \quad \text{et} \quad P(1) = 1.$
--

Je retrouve ainsi $P(2) = 1$, $P(3) = 1 + 1 = 2$, $P(4) = 2 + 1 + 2 = 5$ et j'obtiens :

$P(5) = 14 \quad \text{et} \quad P(6) = 42.$
--

Le lecteur curieux pourra vérifier que $P(n)$ n'est autre que le n -ième nombre de Catalan C_{n-1} et que :

$$\forall n \in \mathbb{N} \quad P(n+1) = C_n = \frac{1}{n+1} \binom{2n}{n}.$$

- 3) a) L'ensemble des coûts associés aux différents parenthésages permettant le calcul de
- $\Pi(i..j)$
- forment une partie non vide de
- \mathbb{N}
- , qui admet donc un plus petit élément !

Il existe un parenthésage optimal.

- b) Supposons un parenthésage optimal
- $\mathcal{P}(i..j)$
- pour le calcul de
- $\Pi(i..j)$
- et
- k
- dans
- $\llbracket i, j-1 \rrbracket$
- tel que le dernier calcul soit le produit de
- $\Pi(i..k)$
- par
- $\Pi(k+1..j)$
- ; si, par exemple, le sous-parenthésage
- $\mathcal{P}(i..k)$
- du calcul de
- $\Pi(i..k)$
- n'était pas optimal, je disposerais d'un autre parenthésage
- $\mathcal{P}^*(i..k)$
- de coût strictement inférieur à celui de
- $\mathcal{P}(i..k)$
- , pour le calcul de
- $\Pi(i..k)$
- .

Alors, en remplaçant $\mathcal{P}(i..k)$ par $\mathcal{P}^*(i..k)$, j'obtiendrais un parenthésage pour le calcul de $\Pi(i..j)$, de coût strictement inférieur à celui de $\mathcal{P}(i..j)$, ce qui est contradictoire avec son caractère optimal. De même pour le parenthésage du calcul de $\Pi(k+1..j)$.

Les parenthésages pour les calculs de $\Pi(i..k)$ et de $\Pi(k+1..j)$ sont optimaux.
--

c) $m(i, i)$ est bien sûr nul puisqu'il n'y a aucune multiplication à effectuer pour fournir A_i ! Supposons maintenant $i < j$. $m(i, j)$ est égal à l'une des valeurs :

$$m(i, k) + m(k + 1, j) + d_{i-1}d_kd_j, \quad i \leq k < j ;$$

en effet, le calcul de $\Pi(i..j)$ s'achèvera par le calcul d'un produit de la forme

$$(\Pi(i..k) \times \Pi(k + 1..j)), \quad i \leq k < j ;$$

le coût du calcul de $\Pi(i..k)$ (resp. $\Pi(k + 1..j)$) étant $m(i, k)$ (resp. $m(k + 1, j)$) d'après la question précédente ; enfin, $\Pi(i..k)$ (resp. $\Pi(k + 1..j)$) étant une matrice de type (d_{i-1}, d_k) (resp. (d_k, d_j)) — récurrence immédiate — le coût du dernier produit est bien $d_{i-1}d_kd_j$. Ainsi, $m(i, j)$ est nécessairement la plus petite de ces valeurs, pour k décrivant $\llbracket i, j - 1 \rrbracket$.

En conclusion :

$$m(i, j) = \begin{cases} 0 & \text{si } i = j \\ \min_{i \leq k < j} (m(i, k) + m(k + 1, j) + d_{i-1}d_kd_j) & \text{si } i < j \end{cases} .$$

4) a) La fonction `Cout_min` est triviale (dernière ligne) ! Tout est dans la fonction auxiliaire récursive `m` :

```
def Cout_min(d):
    def m(i, j):
        if i == j:
            return 0
        else:
            dd = d[i-1]*d[j]
            min = m(i+1, j) + dd*d[i]
            for k in range(i+1, j):
                essai = m(i, k) + m(k+1, j) + dd*d[k]
                if essai < min:
                    min = essai
            return min
    return m(1, len(d)-1)
```

- * La fonction `m` se termine bien, car la valeur entière $j - i$ décroît strictement à chaque appel récursif, et le test d'arrêt renvoie un résultat lorsque $i = j$.
- * La correction de la fonction `m` se prouve par récurrence forte sur $h = j - i$: pour $j - i = 0$, $m(i, j)$ renvoie bien le résultat attendu, 0 ; si je suppose $h \geq 1$ tel que $m(u, v)$ renvoie le résultat attendu pour tout couple (u, v) d'entiers tels que : $1 \leq u \leq v \leq n$ et $v - u < h$ et si je considère (i, j) tel que $j - i = h$, alors l'appel $m(i, j)$ renvoie bien le résultat attendu d'après **3)c)**, cela en utilisant l'hypothèse de récurrence pour chaque valeur de k testée (la boucle déterminant le minimum est standard, ne pas oublier toutefois l'initialisation de la variable `min` !).
- * L'utilisation de la variable `dd` permet de ne pas recalculer inutilement $d[i-1]*d[j]$.

b) L'examen de la fonction `m` ci-dessus montre que :

$$M(1) = 0 \quad \text{et} \quad \forall n \geq 2 \quad M(n) = 1 + M(n-1) + 1 + \sum_{p=1}^{n-2} [M(p) + M(n-p) + 1]$$

les valeurs de n (resp. p) correspondant à celles de $j - i + 1$ (resp. $k - i$) ; soit, après réindexation,

$$M(n) = n + 2 \sum_{p=2}^{n-1} M(p) \quad \text{d'où, en minorant grossièrement} :$$

$$M(2) = 2 \quad \text{et} \quad \forall n \geq 3 \quad M(n) \geq 2M(n-1).$$

Il en résulte, par une récurrence évidente :

$$\forall n \geq 2 \quad M(n) \geq 2^{n-1}. \quad \text{Cette fonction est inutilisable pour de grandes valeurs de } n.$$

- 5) a) Nous reprenons ici le résultat du **3)c**, en remarquant que nous pouvons remplir le tableau m (ou plus précisément sa partie utile, à savoir le triangle supérieur formé des $m[i, j]$, pour $i \leq j$) en remplissant l'une après l'autre les "diagonales" définies par $j - i = h$, pour $h = 0, \dots, n - 1$: comme $k - i < j - i$ et $j - (k + 1) < j - i$, cela pour tout k tel que $i \leq k < j$, la détermination de chaque nouvelle valeur se fera en n'utilisant que des valeurs déjà calculées (après évidemment l'initialisation de la première diagonale, compte tenu de $m[i, i] = 0$). D'où la fonction :

```
def Tableau_m(d):
    n = len(d)-1
    m = np.zeros((n+1, n+1), dtype = int)
    # kop = np.zeros((n+1, n+1), dtype = int)
    for h in range(1, n):
        for i in range(1, n-h+1):
            j = i + h
            dd = d[i-1]*d[j]
            m[i, j] = m[i+1, j] + dd*d[i]
            # kop[i, j] = i
            for k in range(i+1, j):
                essai = m[i, k] + m[k+1, j] + dd*d[k]
                if essai < m[i, j]:
                    m[i, j] = essai
                    # kop[i, j] = k
    return m #, kop
```

- b) $m(1, n)$ n'est obtenu qu'à la fin du remplissage (pour $h = n - 1, i = 1, j = n$). Pour en arriver là, il aura fallu effectuer $N(n)$ multiplications d'entiers, avec, en suivant pas à pas la procédure

$$\begin{aligned} N(n) &= \sum_{h=1}^{n-1} \left(\sum_{i=1}^{n-h} [1 + 1 + (i + h - 1) - (i + 1) + 1] \right) = \sum_{h=1}^{n-1} (n - h)(1 + h) \\ &= \sum_{h=1}^{n-1} [n + (n - 1)h - h^2] = n(n - 1) + (n - 1) \frac{(n - 1)n}{2} - \frac{(n - 1)n(2n - 1)}{6} \end{aligned}$$

cela compte tenu des formules classiques :

$$\sum_{k=1}^n k = \frac{n(n+1)}{2} \quad \text{et} \quad \sum_{k=1}^n k^2 = \frac{n(n+1)(2n+1)}{6}.$$

Soit, tous calculs faits :

$$N(n) = \frac{n(n-1)(n+4)}{6} \underset{n \rightarrow \infty}{\sim} \frac{n^3}{6} \text{ ce qui devient presque raisonnable.}$$

- c) La modification demandée s'obtient simplement en supprimant les dièses de la fonction du **a)** ci-dessus : le tableau `kop` est alors rempli en même temps que `m`. `kop[i, j]` est mis à jour à chaque fois que c'est nécessaire, avec la valeur optimale (ou l'une des valeurs optimales...) de k pour le calcul de $\Pi(i..j)$ sous la forme $(\Pi(i..k) \times \Pi(k+1..j))$.
- d) Cette fonction s'écrit naturellement, à l'aide d'une fonction auxiliaire récursive, une fois de plus.

```
def Parenthesage(kop):
    def Aux(i, j):
        if i == j:
            return 'A[' + str(i) + ']'
        else:
            return '(' + Aux(i, kop[i, j]) + Aux(kop[i, j] + 1, j) + ')'
    return Aux(1, len(kop)-1)
```

La fonction `Parenthesage` elle-même est triviale (dernière ligne !). Quant à la fonction `Aux`, elle reprend "à la lettre" la définition récursive d'un parenthésage complet, avec le "bon choix" de k fourni par le tableau `kop`, par construction !